

MYELOOISTEN VERISYÖPIEN GEENIMUTAATIOIDEN DNA-SEKVENSOINTI (MPMut-D) LAAJENEE SISÄLLÖLTÄÄN 1.5.2022 ALKAEN

Tutkimusnimikkeellä MPMut-D (TYKS:n tutkimusnumero 14067) tilattava ja massiivisella rinnakkaissekvensoinnilla (NGS) tehtävä myeloosten verisyöpien geenimutaatioiden analyysimenetelmä laajenee sisällöltään kuudella geenillä: *BIRC3*, *ERCC6L2*, *FBXW7*, *MYD88*, *PARN* ja *SETD2*.

1.5.2022 alkaen pyynnöllä MPMut-D tehdyt näytteet tutkitaan ja raportoidaan uuden laajemman sisällön mukaisesti. Geenien koodaavat alueet sekvensoidaan kokonaisuudessaan.

Laajennettu paneeli sisältää seuraavat 104 geeniä:

ABL1, ANKRD26, ASXL1, ASXL2, ATM, ATRX, BCOR, BCORL1, BIRC3, BRAF, BRCC3, CALR, CBL, CBLB, CBLC, CCND2, CDKN2A, CEBPA, CHEK2, CREBBP, CSF3R, CSMD1, CSNK1A1, CTCF, CUX1, DDX41, DHX15, DNMT3A, ELANE, ERCC6L2, ETNK1, ETV6, EZH2, FANCA, FANCL, FBXW7, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, GNB1, HNRNP, HRAS, IDH1, IDH2, IKZF1, JAK1, JAK2, JAK3, KDM6A, KIT, KMT2A, KMT2D, KRAS, LUC7L2, MECOM, MET, MPL, MYC, MYD88, NF1, NOTCH1, NOTCH2, NPM1, NRAS, PARN, PAX5, PDGFRA, PHF6, PIGA, PML, PPM1D, PTPN11, RAD21, RAF1, RB1, RBBP6, RPS19, RTEL1, RUNX1, SAMD9, SAMD9L, SBDS, SETBP1, SETD2, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SOS1, SRP72, SRSF2, STAG1, STAG2, STAT3, STAT5B, TERC, TERT, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZBTB7A, ZRSR2.

Tutkimuksen hinta ei muutu.

Tarkemmat tiedot tutkimuksesta:

<https://webohjekarja.mylabservices.fi/TYKS>

Tiedustelut:

molgen@tyks.fi, Vesa Juvonen puh. 050 515 0361, Veli Kairisto puh. 050 5972027

Vesa Juvonen
Yligeneetikko
Genomiikan vastuualue
Tyks Laboratoriot

Ella Granö
Geneetikko
Genomiikan vastuualue
Tyks Laboratoriot

Veli Kairisto
Osastonylilääkäri
Genomiikan vastuualue
Tyks Laboratoriot

Jakelu: VSSHP yksiköt, Turun hyvinvointitoimiala erikoissairaanhoido, Genomiikan vastuualueen asiakaslaboratoriot